

"Replacement Sheet"

Figure 15

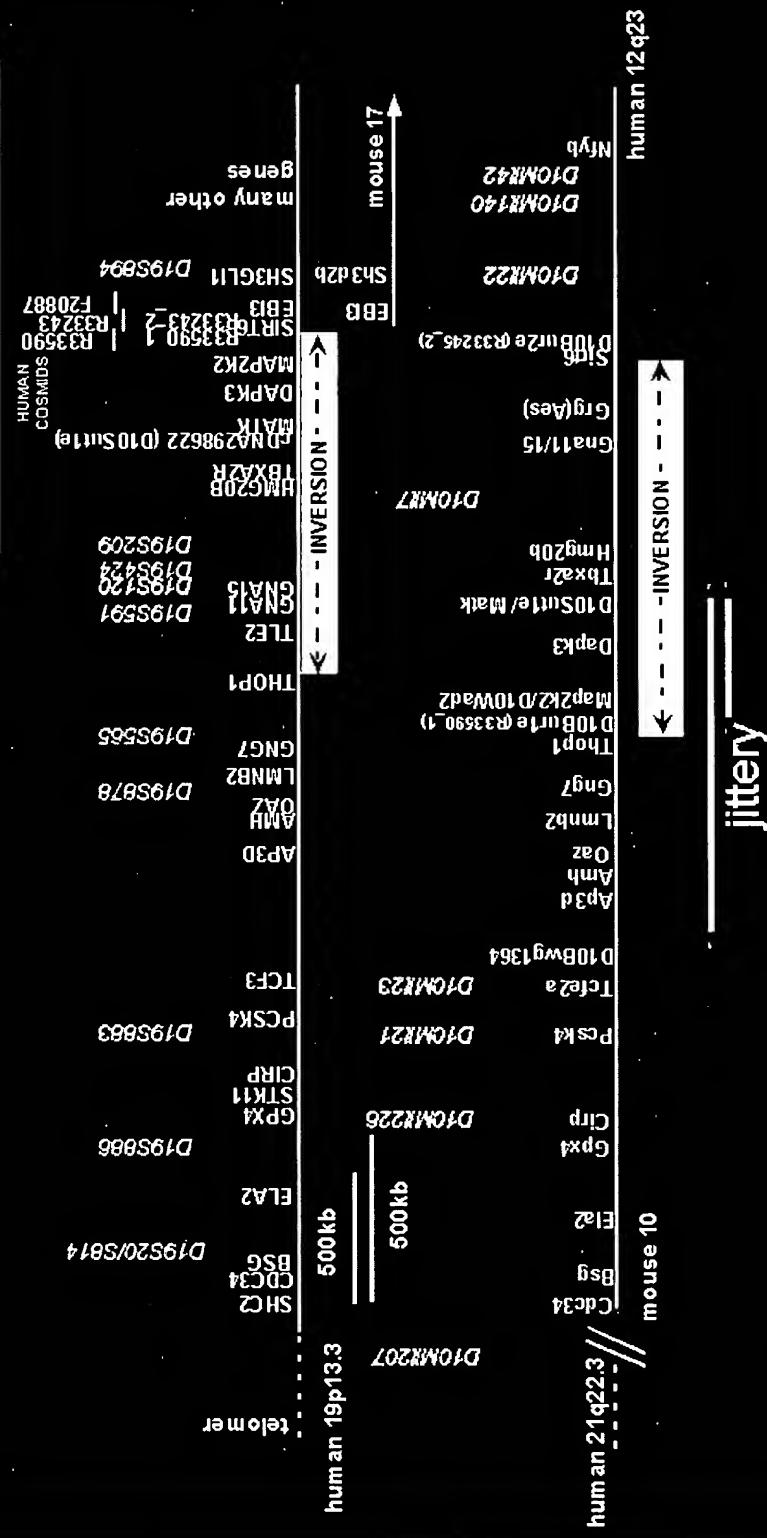
Table 2

Marker	Forward	Reverse	Alleles	Size
21944ata	ctggaactacaggaatgtacc (SEQ ID NO:29)	tttctgcttgcacgg (SEQ ID NO:46)	5	411
4k17ca	tgtgttacacctactacctac (SEQ ID NO:30)	aaagaccaaagtctggcag (SEQ ID NO:47)	6	225
31646ata	aaatgcacccgtgccttc (SEQ ID NO:31)	gatccaatgtgacatgccac (SEQ ID NO:48)	4	210
16601gt	caccagtgcagagaatccct (SEQ ID NO:32)	tctctggctgtgagagc (SEQ ID NO:49)	6	189
33083ca	atgacaaggcactccagccctga (SEQ ID NO:33)	agcttgcaatgtgacatgcc (SEQ ID NO:50)	3	206
16492ec1	gccgtttgacgtgcattgtt (SEQ ID NO:34)	agcaatatccgccttcctg (SEQ ID NO:51)	2	187
PTPRSX7	gactcctagttgtctccct (SEQ ID NO:35)	cacacatagggacaaagag (SEQ ID NO:52)	2	266
A008X33	agacagagaataagacaaaacacc (SEQ ID NO:36)	gatttggatgtcagttt (SEQ ID NO:53)	2	160
A002R35	tggcttatttctcatc (SEQ ID NO:37)	cacttgtgctgagactct (SEQ ID NO:54)	2	232
HIBx4	gcacgaaaacagactaatacgg (SEQ ID NO:38)	gttgtcatttcagacccctcc (SEQ ID NO:55)	2	185
XRRC1ca1	ccgatggatctacagtgc (SEQ ID NO:39)	tcttggatgagaaccaactc (SEQ ID NO:56)	6	159
ERRC1ca2	ttacaggagtggccaccat (SEQ ID NO:40)	aggactcacaagtggttg (SEQ ID NO:57)	7	215
ERRC2ca6	ttgtactcactgtgtccag (SEQ ID NO:41)	tagtaaggccaaatgtccccc (SEQ ID NO:58)	4	244
79129ca	tttagaagccctgttggAAC (SEQ ID NO:42)	ctgtgtttgtggatgtgg (SEQ ID NO:59)	7	207
282485ca3	tagtccagggttggcaa (SEQ ID NO:43)	gaagacgttaacatgtccag (SEQ ID NO:60)	2	319
282485ca4	agccctaatactcgcttc (SEQ ID NO:44)	gcagggttgcagaataccctg (SEQ ID NO:61)	3	186
82621gt1	tctgctgtatgtatcccttc (SEQ ID NO:45)	gactatgaaggagaagta (SEQ ID NO:62)	6	151



## "Replacement Sheet"

# Comparative Map of Human Chromosome 19p13.3 and mouse Chromosome 10: evidence for an inversion



## Region of overlap between jittery and Cayman ataxia

Figure 5